

Resumen

Mediante el análisis de polimorfismos enzimáticos se estudió la variabilidad genética en la accesión original de *Arachis pintoi* (recolectada en 1954 en Brasil) y en accesiones derivadas, y se compararon con la variabilidad entre nueve accesiones derivadas de la accesión original. Las accesiones habían sido multiplicadas en ocho localidades diferentes en varios países. Para evaluar la variabilidad presente en el sitio de origen se tomó una muestra estratificada en 20 lugares diferentes y muy próximos al sitio de origen probable. De las 10 enzimas analizadas, solamente dos revelaron polimorfismo: esterasa y fosfoglucomutasa. Como inicialmente fueron usadas muestras de semillas con amplias diferencias de edad entre ellas, el polimorfismo observado en las estererasas pudo deberse a variaciones de origen epigenético y ambiental. Se realizó un segundo análisis de este sistema, usando semillas con germinación sincronizada durante una generación, bajo condiciones controladas. Este segundo análisis permitió observar patrones monomórficos de esterasa en todas las accesiones; por consiguiente, para las enzimas analizadas se detectó una alta uniformidad entre las accesiones estudiadas. La variación observada en la enzima fosfoglucomutasa sólo fue detectada en la muestra estratificada. La baja variación total observada pudo ser debida a dos razones: la colección de germoplasma original, que dio origen a la parcela de campo inicial, estaría representada por pocas plantas o por solamente una planta y todas las accesiones derivadas habrían sido originadas por un pequeño número de individuos; o el polimorfismo fue bajo en la población original, representada en este estudio por la accesión establecida a partir de semillas coleccionadas en 20 puntos en el sitio de origen natural.